Organisme belge d'Accréditation
Belgische Accreditatieinstelling
Belgische Akkreditierungsstelle
Belgian Accreditation Body

EA MLA Signatory

Certificat d'Accréditation n° 128-MED

En application des dispositions de l'arrêté royal du 31 janvier 2006 créant BELAC, le Bureau d'Accréditation atteste avoir délivré une accréditation conformément aux exigences de la norme EN ISO 15189:2022 à:

Centre hospitalier universitaire de Liège
Avenue de l'Hôpital 1
4000 Liège

Numéro d'entreprise: 0232.988.060

L'organisme a démontré posséder la compétence pour effectuer les activités réalisées dans les sites d'activités mentionnés dans la portée d'accréditation 128-MED qui fait partie intégrante du présent certificat.

La version en vigueur de la portée d'accréditation est disponible via www.belac.be.

Ce certificat reste valable à condition que l'organisme continue de répondre aux conditions d'accréditation.

La Présidente du Bureau d'Accréditation BELAC,

Maureen LOGGHE

Version : **17**

Période de validité : **2026-08-13 - 2031-02-23**

BELAC BELAC BELAC

BELAC 6-319 R2-2025

.be

Organisme belge d'Accréditation
Belgische Accreditatieinstelling
Belgische Akkreditierungsstelle
Belgian Accreditation Body

EA MLA Signatory

Accreditatiecertificaat nr. 128-MED

In uitvoering van de beschikkingen van het koninklijk besluit van 31 januari 2006 tot oprichting van BELAC, verklaart het Accreditatiebureau accreditatie conform de eisen van de norm EN ISO 15189:2022 te hebben verleend aan:

Centre hospitalier universitaire de Liège
Avenue de l'Hôpital 1
4000 Liège

Ondernemingsnummer: 0232.988.060

De instelling heeft aangetoond bekwaamheid te bezitten voor de activiteiten uitgevoerd in de activiteitencentra zoals gespecificeerd in de accreditatiescope 128-MED die integraal deel uitmaakt van dit certificaat.

De huidige versie van de accreditatiescope is beschikbaar op www.belac.be.

Dit certificaat blijft geldig onder voorwaarde dat de instelling blijft voldoen aan de accreditatievoorwaarden.

De Voorzitster van het Accreditatiebureau BELAC,

Maureen LOGGHE

Versie : **17**

Geldigheidsduur : **2026-08-13 - 2031-02-23**

De originele versie van dit certificaat is in het Frans.

.be

BELAC BELAC BELAC

BELAC 6-319 R2-2025

Organisme belge d'Accréditation
Belgische Accreditatieinstelling
Belgische Akkreditierungsstelle
Belgian Accreditation Body

EA MLA Signatory

Accreditation Certificate No. 128-MED

In compliance with the provisions of the Royal Decree of 31 January 2006 setting up BELAC, the Accreditation Board hereby declares to have granted accreditation conform the requirements of the standard EN ISO 15189:2022 to:

Centre hospitalier universitaire de Liège
Avenue de l'Hôpital 1
4000 Liège

Enterprise number: 0232.988.060

The body demonstrated the competence to perform the activities in the activity sites, as described in the scope of accreditation 128-MED which is an integral part of the present certificate.

The current version of the scope of accreditation is available at www.belac.be.

This certificate remains valid as long as the body continues to meet the accreditation conditions.

The Chair of the Accreditation Board BELAC,

Maureen LOGGHE

Version : **17**

Validity period : **2026-08-13 - 2031-02-23**

Original version of this certificate is in French.

.be

BELAC BELAC BELAC

BELAC 6-319 R2-2025

Organisme belge d'Accréditation
Belgische Accreditatieinstelling
Belgische Akkreditierungsstelle
Belgian Accreditation Body

EA MLA Signatory

Akkreditierungszertifikat Nr. 128-MED

Aufgrund der Bestimmungen des königlichen Erlasses vom 31. Januar 2006 zur Gründung von BELAC, bestätigt das Akkreditierungsbüro, gemäß den Vorschriften der Norm EN ISO 15189:2022, die folgende Stelle akkreditiert zu haben:

Centre hospitalier universitaire de Liège
Avenue de l'Hôpital 1
4000 Liège

Unternehmensnummer: 0232.988.060

Die Stelle hat ihre Kompetenz für die in den Aktivitätszentren durchgeführten Aktivitäten gemäß dem Geltungsbereich der Akkreditierung 128-MED, der ein integraler Bestandteil des vorliegenden Zertifikats ist, nachgewiesen.

Die aktuelle Version des Geltungsbereichs der Akkreditierung ist unter www.belac.be verfügbar.

Dieses Zertifikat bleibt unter der Bedingung gültig, dass die Stelle die Akkreditierungsanforderungen weiterhin erfüllt.

Die Vorsitzende des Akkreditierungsbüros BELAC,

Maureen LOGGHE

Fassung : **17**

Gültigkeitsdauer : **2026-08-13 - 2031-02-23**

Die Originalfassung dieses Zertifikats ist in französischer Sprache.

.be

BELAC BELAC BELAC

BELAC 6-319 R2-2025

Organisme belge d'Accréditation
Belgische Accreditatieinstelling
Belgische Akkreditierungsstelle
Belgian Accreditation Body

EA MLA Signatory

Annexe au certificat d'accréditation
Bijlage bij accreditatiecertificaat
Annex to the accreditation certificate
Beilage zur Akkreditierungszertifikat

128-MED

EN ISO 15189:2022

Version / Versie / Version / Fassung	35
Validité / Geldigheidsperiode / Validity / Gültigkeitsdauer	2026-09-24 - 2031-02-23

Maureen Logghe
La Présidente du Bureau d'Accréditation
Voorzitster van het Accreditatiebureau
Chair of the Accreditation Board
Vorsitzende des Akkreditierungsbüro

L'accréditation est délivrée à / De accreditatie werd uitgereikt aan
The accreditation is granted to / Die akkreditierung wurde erteilt für:

Centre hospitalier universitaire de Liège
Avenue de l'Hôpital 1
4000 Liège

Numéro d'entreprise / Ondernemingsnummer / Enterprise number / Unternehmensnummer:
0232.988.060

Sites d'activités / Activiteitencentra / Sites of activities / Standorte mit aktivitäten:

Unilab Lg - Site du Sart Tilman (CHU-ST)	Avenue de l'Hôpital 1 4000 Liège
Unilab Lg - C.H.U. Notre Dame des Bruyères (CHU-NDB)	Rue de Gaillarmont 600 4032 Liège

BELAC BELAC BELAC

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
SCOPE FIXE				
3.1 PATHOLOGIE				
3.1.1 HISTOLOGIE				
Analyses moléculaires				
PFR1A	Tissus FFPE (Formalin Fixed and Paraffin Embeded)	Recherche d'un réarrangement monoclonal du gène codant pour la chaîne lourde des immunoglobulines (FRI-VH des IgH)	Amplification qualitative par PCR/Analyse de fragment par électrophorèse capillaire, Séquenceur/analyseur de fragment, Technique LDT	CHU -ST
PFR2A	Tissus FFPE	Recherche d'un réarrangement monoclonal du gène codant pour la chaîne lourde des immunoglobulines (FRII-VH des IgH)	Amplification qualitative par PCR/Analyse de fragment par électrophorèse capillaire, Séquenceur/analyseur de fragment, Technique LDT	CHU -ST
PFR3A	Tissus FFPE	Recherche d'un réarrangement monoclonal du gène codant pour la chaîne lourde des immunoglobulines (FRIII-VH des IgH)	Amplification qualitative par PCR/Analyse de fragment par électrophorèse capillaire, Séquenceur/analyseur de fragment, Technique LDT	CHU -ST
PTCRB	Tissus FFPE	Recherche d'un réarrangement monoclonal du gène TCRBêta (récepteur antigénique des cellules T)	Amplification qualitative par PCR/Analyse de fragment par électrophorèse capillaire, Séquenceur/analyseur de fragment, Technique LDT	CHU -ST
PTCRG	Tissus FFPE	Recherche d'un réarrangement monoclonal du gène TCRgamma (récepteur antigénique des cellules T)	Amplification qualitative par PCR/Analyse de fragment par électrophorèse capillaire, Séquenceur/analyseur de fragment, Technique LDT	CHU -ST
SISHGN	Tissus FFPE	Recherche d'une amplification du gène HER-2/neu dans le cancer gastrique	Silver In situ hybridisation, Benchmark ULTRA (ROCHE)/CE-IVD, microscopie optique	CHU -ST
SISHSN	Tissus FFPE	Recherche d'une amplification du gène HER-2/neu dans le cancer mammaire	Silver In situ hybridisation, Benchmark ULTRA (ROCHE)/CE-IVD, microscopie optique	CHU -ST
SISHKL	Tissus FFPE	Recherche de monotypies de chaines légères kappa/lambda	In situ hybridisation, Benchmark ULTRA (ROCHE)/CE-IVD, microscopie optique	CHU -ST
ISHEBV	Tissus FFPE	Recherche de la présence du EBV	In situ hybridisation, Benchmark ULTRA (ROCHE)/CE-IVD, microscopie optique	CHU -ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
Analyses non moléculaires				
UOALKPO	Tissus FFPE	Protéine ALK poumon	Immunohistologie; Benchmark ULTRA	CHU -ST
UOHER2	Tissus FFPE	Protéine Her2	Immunohistologie; Benchmark ULTRA	CHU -ST
UON-TRK	Tissus FFPE	Protéine TRK	Immunohistologie; Benchmark ULTRA	CHU -ST
UOOESTRO	Tissus FFPE	Protéine récepteur œstrogène	Immunohistologie; Benchmark ULTRA	CHU -ST
UOPDL1SP263	Tissus FFPE	Protéine PD-L1, poumon	Immunohistologie; Benchmark ULTRA	CHU -ST
UOPROGES	Tissus FFPE	Protéine récepteur progestérone	Immunohistologie; Benchmark ULTRA	CHU -ST
UOROS1	Tissus FFPE	Protéine ROS1 (CLONE SP384)	Immunohistologie; Benchmark ULTRA	CHU -ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
3.2 CHIMIE CLINIQUE				
3.2.1 Biochimie				
ABA	Sang total hépariné	PH et Gaz sanguins (artériel)	PH, pCO2 (potentiométrie), pO2 (ampérométrie) sur GEM5000 PREMIER (WERFEN). calcul des BCB standards, excès de base, HbO2... sur GEM5000 PREMIER (WERFEN)	CHU -ST
ABV	Sang total hépariné	PH et Gaz sanguins (veineux)	PH, pCO2 (potentiométrie), pO2 (ampérométrie) sur GEM5000 PREMIER (WERFEN). calcul des BCB standards, excès de base, HbO2... sur GEM5000 PREMIER (WERFEN)	CHU -ST
CAI	Calcium ionisé	Sang total hépariné	méthode potentiométrique (électrode sélective) sur GEM5000 PREMIER (WERFEN)	CHU -ST
CHB	Sang total hépariné	Carboxy-hémoglobine	Méthode spectrophotométrique sur GEM5000 PREMIER (WERFEN)	CHU -ST
IOHEXMS, IOHEXDMS	Sérum	Iohexol sérique	LC-MS/MS (LDT sur LC-MS Sciex)	CHU -ST
MHB	Sang total hépariné	Méthémoglobine	Méthode optique sur GEM5000 PREMIER (WERFEN)	CHU -ST
OS	Sérum / Plasma hépariné	Osmolalité	Mesure du delta cryoscopique sur osmomètre Osmo Station OM-6060 (Arkray – Menarini)	CHU - ST+ CHU - NDB
OSU	Urine	Osmolalité	Mesure du delta cryoscopique sur osmomètre Osmo Station OM-6060 (Arkray)	CHU - ST+ CHU - NDB
RU	Urine	Analyse de la tigette urinaire	Analyseur UC-MAX (Menarini)	CHU -ST
SACE	Sérum	Angiotensine convertase	Méthode cinétique sur Cobas C303 (trousse ACE cinétique Bühlmann laboratories AG)	CHU -ST
SU	Urine	Analyse du sédiment urinaire	Analyseur SediMAX ConTRUST PRO (Menarini)	CHU -ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
3.2.4 Monitoring thérapeutique				
DAT/RAT	sérum, sang	Recherche et dosage d'antidépresseurs: Citalopram, Clomipramine, Mirtazapine, Sertraline, Trazodone	Extraction liquide/liquide - UHPLC/DAD (Alliance - WATERS)	CHU -ST
DBE/RBE	sérum, sang	Recherche et dosage de benzodiazépines : Alprazolam, Bromazépam, 7-aminoclonazépam, Diazépam, Nordiazépam, Oxazépam	Extraction liquide/liquide - UHPLC/DAD (Alliance - WATERS)	CHU -ST
DNE/RNE	sérum, sang	Recherche et dosage de neuroleptiques: Clozapine, Olanzapine, Aripiprazole, Pipampérone, Prothipendyl	Extraction liquide/liquide - UHPLC/DAD (Alliance - WATERS)	CHU -ST
3.2.5 Toxicologie				
AE	sang	Acétone	HS-GC-FID (GC 2010 - SHIMADZU)	CHU -ST
AE	sang	Acétone	HS-GC-FID (GC 2030 Nexis - SHIMADZU)	CHU -ST
CETHA	sang	Ethanol	HS-GC-FID (GC 2010 - SHIMADZU)	CHU -ST
CETHA	sang	Ethanol	HS-GC-FID (GC 2030 Nexis - SHIMADZU)	CHU -ST
DCAN/RCAN	sérum	Recherche et dosage cannabis (THC, THC-OH, THC-COOH)	Extraction liquide/liquide - LC-MS/MS (Xevo TQS - WATERS)	CHU -ST
DCOC/RCOC	sérum	Recherche et dosage de cocaïne (cocaïne, benzoylecgonine).	Extraction en phase solide - LC-MS/MS (Quattro Premier - WATERS)	CHU -ST
DOP/ROP	sérum	Recherche et dosage d'opiacés (morphine, codéine, 6-MAM).	Extraction en phase solide - LC-MS/MS (Quattro Premier - WATERS)	CHU -ST
DAMP/RAMP	sérum	Recherche et dosage d'amphétamines (amphétamine, méthamphétamine, MDA, MDMA).	Extraction en phase solide - LC-MS/MS (Quattro Premier - WATERS)	CHU -ST
ISP	sang	Isopropanol	HS-GC-FID (GC 2010 - SHIMADZU)	CHU -ST
ISP	sang	Isopropanol	HS-GC-FID (GC 2030 Nexis - SHIMADZU)	CHU -ST
MET	sang	Méthanol	HS-GC-FID (GC 2010 - SHIMADZU)	CHU -ST
MET	sang	Méthanol	HS-GC-FID (GC 2030 Nexis - SHIMADZU)	CHU -ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
3.2.8 Screening néonatal et prénatal				
17OHP	Sang Séché	17-Hydroxyprogestérone	ELISA (automate = IMMUNOMAT LaCar-MDx)	CHU - ST
AAAC	Sang Séché	Acides Aminés & Acylcarnitines	LC-MS-MS (Spectromètre = Sciex, kit Chromsystems dérivé)	CHU -ST
B6	Plasma	B6 Vitamers	LC-MS-MS (Spectromètre = Sciex, Méthode LDT extraction liquide-liquide)	CHU -ST
BIOT	Sang Séché	Biotinidase	ELISA (automate = IMMUNOMAT LaCar-MDx)	CHU - ST
CRGA	Urine	Creatine & Guanidinoacetate	LC-MS-MS (Spectromètre = Sciex, Méthode LDT extraction liquide-liquide)	CHU - ST
DHPR	Sang Séché	DiHydropterine Reductase	ELISA (automate = IMMUNOMAT LaCar-MDx)	CHU - ST
GAL	Sang Séché	Galactose	Enzymatique - fluorimétrie (kit LaCar-MDx)	CHU -ST
IRT	Sang Séché	Trypsine ImmunoRéactive	ELISA (automate = IMMUNOMAT LaCar-MDx)	CHU -ST
SMA	Sang Séché	Amyotrophie Spinale	qPCR (kit LaCar-Mdx, appareil : CFX96 BioRad)	CHU - ST
TSH_ZTECH	Sang Séché	Thyroid Stimulating Hormone	ELISA (automate = IMMUNOMAT LaCar-MDx)	CHU -ST
BABYDETECT	Sang Séché	BabyDetect	Targeted Massive parallel sequencing (short read) (Twist Bioscience, Twist custom panel Design) - Séquenceurs Illumina : NOVASEQ 600 et NEXTSEQ 550	CHU -ST
U-UH2	Plasma	Uracile - Dihydro-Uracile	LC-MS-MS (Spectromètre = Sciex, Méthode LDT)	CHU -ST
AA.HRMS	Plasma	Acides Aminés	LC-qTOF (Spectromètre = Sciex, Méthode LDT)	CHU -ST
HBS	Sang Séché	Hémoglobinopathies	LC-MS-MS (Spectromètre = Sciex, Méthode LDT)	CHU - ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
3.3 HEMATOLOGIE				
3.3.2 Immunohématologie				
Analyses moléculaires				
ABOD	Sang EDTA	Détermination du groupe sanguin ABOD	Agglutination en Gel (automate IH-500)	CHU -ST
ABOD	Sang EDTA/coagulé sans gel	Détermination du groupe sanguin ABOD	Agglutination en Gel (technique manuelle)	CHU -ST
ABOD	Sang EDTA	Détermination du groupe sanguin ABOD	Agglutination en microplaque (automate NEO IRIS)	CHU -ST
ABOD	Sang EDTA	Détermination du groupe sanguin ABOD	Agglutination en Tube (technique sérologique en milieu enzymatique et Liss/Coombs dans tube en verre lavable)	CHU -ST
COMP-1	Sang EDTA	Compatibilité pré-transfusionnelle	Agglutination en Gel (automate IH-500)	CHU -ST
COMP-1	Sang EDTA/coagulé sans gel	Compatibilité pré-transfusionnelle	Agglutination en Gel (technique manuelle)	CHU -ST
PHE-1	Sang EDTA	Détermination du phénotype RH (antigènes RH2 [C], RH3 [E], RH4 [c], RH5 [e].	Agglutination en Gel (automate IH-500)	CHU -ST
PHE-1	Sang EDTA/coagulé sans gel	Détermination du phénotype RH (antigènes RH2 [C], RH3 [E], RH4 [c], RH5 [e].	Agglutination en Gel (technique manuelle)	CHU -ST
PHE-1	Sang EDTA	Détermination du phénotype RH (antigènes RH2 [C], RH3 [E], RH4 [c], RH5 [e].	Agglutination en microplaque (automate NEO IRIS)	CHU -ST
PHE-1	Sang EDTA	Détermination du phénotype RH (antigènes RH2 [C], RH3 [E], RH4 [c], RH5 [e].	Agglutination en Tube (technique sérologique en milieu enzymatique et Liss/Coombs dans tube en verre lavable)	CHU -ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
RAI-1	Sang EDTA/coagulé sans gel	Recherche d'anticorps irréguliers	Agglutination en Gel (automate IH-500)	CHU -ST
RAI-1	Sang EDTA/coagulé sans gel	Recherche d'anticorps irréguliers	Agglutination en Gel (technique manuelle)	CHU -ST
RAI-1	Sang EDTA/coagulé sans gel	Recherche d'anticorps irréguliers	Agglutination en Microplaque (Immuno-Capture ; NEO IRIS	CHU -ST
RAI-2	Sang EDTA/coagulé sans gel	Recherche d'anticorps anti-érythrocytaires en vue de transfusion (Type and Screen)	Agglutination en Gel (automate IH-500)	CHU -ST
RAI-2	Sang EDTA/coagulé sans gel	Recherche d'anticorps anti-érythrocytaires en vue de transfusion (Type and Screen)	Agglutination en Gel (technique manuelle)	CHU -ST
RAI-2	Sang EDTA/coagulé sans gel	Recherche d'anticorps anti-érythrocytaires en vue de transfusion (Type and Screen)	Agglutination en Microplaque (Immuno-Capture ; NEO IRIS	CHU -ST
RAI-3	Sang EDTA/coagulé sans gel	Identification d'anticorps anti-érythrocytaires irréguliers	Agglutination en Gel (technique manuelle)	CHU -ST
RAI-3	Sang EDTA/coagulé sans gel	Identification d'anticorps anti-érythrocytaires irréguliers	Agglutination en Microplaque (Immuno-Capture ; NEO IRIS	CHU -ST
RAI-3	Sang EDTA/coagulé sans gel	Identification d'anticorps anti-érythrocytaires irréguliers	Agglutination en Tube (technique sérologique en milieu enzymatique et Liss/Coombs dans tube en verre lavable)	CHU -ST
RAI-3	Sang EDTA/coagulé sans gel	Identification d'anticorps anti-érythrocytaires irréguliers	Agglutination en Gel (automate IH-500)	CHU -ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
3.4 MICROBIOLOGIE				
3.4.1 Bactériologie				
Analyses moléculaires				
CTXA	Souche de Vibrio cholerae isolée en culture	Recherche par PCR de la présence du gène CtxA, marqueur de pathogénicité codant pour la sous-unité A de la toxine cholérique.	Détection du gène CtxA par PCR "in house" en temps réel adaptée d'après l'article "Use of real time PCR assay for detection of the CtxA gene of Vibrio Cholerae in an environmental survey of mobile bay" (Blackstone G. et al., Journal of Microbiological Methods, 2007) / Thermocycleur: LC480 (Roche)	CHU -ST
HEMOLP	Souche de Vibrio cholerae isolée en culture	Recherche par PCR de la présence des gènes d'hemolysine TDH et TRH	PCR duplex qualitative développée par Kaysner et al 1999	CHU -ST
Analyses non moléculaires				
ATB_AER	Souche de S.agalactiae isolée en culture	- Détermination des concentrations minimales inhibitrices (CMI en mg/L) par la méthode en dilution ETest® et interprétation	Méthode de diffusion standardisée selon la méthode recommandée par l'EUCAST. Utilisation d'ETest® (bioMérieux). Après incubation, au point d'intersection de l'elipse d'inhibition avec l'Etest, les CMI sont lues sur l'échelle de gradient de concentration imprimée sur l'Etest / Incubateur	CHU -ST
ATB_AER	Souche de S.agalactiae isolée en culture	- Détermination des concentrations minimales inhibitrices (CMI en mg/L) par la micro-méthode en dilution SENSITITRE® Trek et interprétation	Technique quantitative standardisée de détermination de CMI en microdilution par l'utilisation de microplaques SENSITITRE spécifiquement fabriquées pour le CNR S.agalactiae (Microplaque Sensititre® Ref. BENRC, Trek Diagnostics System). Les antibiotiques étudiés sont présents dans les gammes complètes des CMI d'intéret. Les suspensions bactériennes standardisées sont distribuées dans les microplaques à l'aide de l'autoinoculateur Sensititre (Sensititre AIM autoInoculator V3020). Après incubation, les CMI sont lues à l'aide du système Sensititre VIZION (Sensititre VIZION System V2020) / incubateur	CHU -ST
ATB_AER	Souche de S.agalactiae isolée en culture	- Détermination de la résistance inductible à la clindamycine par la méthode de diffusion de disques en milieu gélosé	Méthode du Dtest en diffusion en agar. Utilisation de disques papier d'érythromycine (15 mg) et de clindamycine (2 mg). placés à +/- 20 mm de distance. L'érythromycine agirait comme inducteur de l'expression du gène erm se traduisant après incubation par une déformation (applatissement) de la zone d'inhibition de la clindamycine du coté du disque d'érythromycine. Pour toute souche clindamycine S et Dtest Positif, l'interprétation rapportée est R à la clindamycine / Incubateur	CHU -ST
BCPSST	Souche de S.agalactiae isolée en culture	Détermination des sérotypes capsulaires de S.agalactiae	Détection des polysaccharides capsulaires (Ia, Ib, II à IX) de S.agalactiae par un test d'agglutination avec des particules de latex spécifiques des différents sérotypes: Strep-B-Latex (Statens Serum Institut, Danemark)	CHU -ST
Code test isolat: "MALDI"	Souche probable de S.agalactiae isolée en culture	Identification par détermination du profil des protéines ribosomales	Spectrométrie de masse MALDI-TOF / Biotyper MALDI-TOF (Bruker)	CHU -ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
Code test isolat: "MALDI"	Souche probable de Vibrio sp isolée en culture	Identification par détermination du profil des protéines ribosomales	Spectrométrie de masse MALDI-TOF / Biotyper MALDI-TOF (Bruker)	CHU -ST
Code test isolat: "Streptex"	Souche probable de S.agalactiae isolée en culture	Identification immunologique de S.agalactiae	Détection de l'antigène de groupe B par un test d'agglutination avec des particules de latex spécifiques du groupe B (Streptococcal grouping kit, Oxoid)	CHU -ST
DSB	Frottis vagino-rectal, frottis vaginal, frottis rectal	Recherche de S.agalactiae par culture après enrichissement sélectif	Culture sur milieux sélectifs et différentiels appropriés (Strep B differential agar, Becton Dickinson et Strep B select, BioRad) y compris un bouillon d'enrichissement sélectif (Lim broth). Incubation à 35°C dans les atmosphères appropriées (air, air + CO2 et anaérobiose) /Incubateurs	CHU -ST
IDGBS	Souche (probable) de S.agalactiae isolée en culture	Culture	Culture sur milieux solides nutritifs (gélose au sang +/- CNA) ou différentiels (Strep B differential agar, Becton Dickinson ou Strep B select, BioRad) ou en bouillon suivant les objectifs poursuivis / Incubateurs	CHU -ST
IDVIB	Souche (probable) de Vibrio sp isolée en culture	Culture	Culture sur milieux solides nutritifs /incubateur	CHU -ST
VIBSER	Souche de Vibrio cholerae isolée en culture	Détermination du sérogroupe et serovar de V.cholerae	Détection des antigènes O de V.cholerae par un test d'agglutination rapide sur lame avec des antisera spécifiques de V.cholerae (Mast AssureTM Vibrio cholerae antisera, Mast). Le choix des antisera utilisés permet de différencier V.cholerae O1 serovar Inaba, V.cholerae O1 serovar Ogawa, V.cholerae O1 serovar Hikojima et V.cholerae O139 Bengal.	CHU -ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
3.4.2 Mycologie				
Analyses moléculaires				
Code test isolat: "SEQ"	Souche présumée de dermatophyte en culture	Identification par séquençage de la portion ITS	Technique d'amplification par PCR d'un fragment ITS permettant l'identification de l'agent fongique étudié et la discrimination entre espèces proches phylogénétiquement / Thermocycleur Hybaid, Extracteur d'acides nucléiques Maxwell, Multi-NA, Sciclone, Thermocycleur Veriti, Séquenceur ABI 16 capillaires	CHU -ST
DERPS_CNR	Souche présumée de dermatophyte en culture	Identification par PCR de différentes espèces de Dermatophytes	Multiplex Real-time PCR DermaGenius 2,0 Complete (PathoNostics) sur LC480 (Roche)	CHU -ST
Analyses non moléculaires				
ATB_LEV	Levure isolée en culture à partir d'un prélèvement profond ou significatif	Sensibilité aux antifongiques : détermination des concentrations minimales inhibitrices (CMI en mg/L) par méthode de dilution en milieu liquide et interprétation	Technique quantitative standardisée de détermination de CMI en microdilution par l'utilsation de microplaque SENSITITRE (YEAST One, Microplaque Sensititre®, Trek Diagnostics System). Les suspensions standardisées de levures sont distribuées dans les microplaques à l'aide de l'autoinoculateur Sensititre (Sensititre AIM autoInoculator V3020). Après incubation, les CMI sont lues à l'aide du système Sensititre VIZION (Sensititre VIZION System V2020) et interprétées en catégories S (Sensible), I (Intermédiaire) et R (Résistant) en accord avec l'édition la plus récente du CLSI (Clinical Laboratory Standards Institute) / Incubateur	CHU -ST
Code test isolat: "MALDI"	Levures isolées en culture	Identification par détermination du profil des protéines ribosomales	Spectrométrie de masse MALDI-TOF / Biotyper MALDI-TOF (Bruker)	CHU -ST
ID_MYCE	Champignons filamenteux isolés en culture	Identification microscopique	Examen microscopique après croissance sur des milieux appropriés /incubateur	CHU -ST
LEV	Prélèvements de phanères (ongles, peau cheveux) et souche de levure	Recherche de levures par culture	Mise en culture avec isolement sur des milieux spécifiques et incubation en aérobiose/ Incubateur.	CHU -ST
MYCE	Prélèvements de phanères (ongles, peau cheveux) et souche de champignon filamenteux	Recherche de champignons filamenteux par culture	Mise en culture avec isolement sur des milieux spécifiques et incubation en aérobiose / Incubateur.	CHU -ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
3.4.4 Virologie				
Analyses moléculaires				
LRS_HCV_GENO	Sang humain prélevé sur EDTA	Génotypage HCV	Kit commercial (Innogenetics)/ Thermal cycler AUTO LIPA	CHU -ST
PNLMEN	LCR	Détection des virus HSV-1, HSV-2, VZV, Enterovirus et GBS	PCR en temps réel qualitative multiplex (Panel méningite/encéphalite FilmArray, Biomérieux)	CHU - NDB
HCV_GENO	Sang humain prélevé sur EDTA	Génotypage HCV	PCR NS5b et Séquençage Sanger "in house"	CHU -ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
3.4.5 Sérologie infectieuse				
CMV_M	Sérum	Détection des anticorps IgM anti-CMV	Trousse "LIAISON® CMV IgM" (méthode immunoluminométrique) sur le LIAISON® XL (DiaSorin)	CHU -ST
HBc	Sérum	Détection des anticorps anti-Core du HBV	Trousse "LIAISON® anti HBc (DiaSorin)	CHU -ST
HBE	Sérum	Détection des anticorps anti-protéine d'enveloppe du HBV	Trousse "LIAISON® anti HBe" (méthode immunoluminométrique) sur le LIAISON® XL (DiaSorin)	CHU -ST
HBE_AG	Sérum	Détection de l'antigène d'enveloppe du HBV	Trousse "LIAISON® HBeAg" (méthode immunoluminométrique) sur le LIAISON® XL (DiaSorin)	CHU -ST
HBS_AC	Sérum	Détection des anticorps anti-protéine de Surface du HBV	Trousse "LIAISON® anti HBs II" (méthode immunoluminométrique) sur le LIAISON® XL (DiaSorin)	CHU -ST
HBS_AG	Sérum	Détection de l'antigène de Surface du HBV	Trousse "LIAISON® HBsAg" (méthode immunoluminométrique) sur le LIAISON® XL (DiaSorin)	CHU -ST
HCV	Sérum	Détection des anticorps anti-HCV	Trousse "LIAISON® XL MUREX HCV Ab" (méthode immunoluminométrique) sur le LIAISON® XL (DiaSorin)	CHU -ST
HTLV	Sérum	Détection de anticorps dirigés contre les virus HTLV-1 et HTLV-2	Trousse "MUREX®" (méthode ELISA) sur Liaison XL	CHU -ST
TPSCR	Sérum	Détection des anticorps anti-Treponema palladium	Trousse "LIAISON® Treponema Screen"" (méthode immunoluminométrique) sur le LIAISON® XL (DiaSorin)	CHU -ST
CMV_G	Sérum	Détection des anticorps IgG anti-CMV	Trousse "LIAISON® CMV IgG" (méthode immunoluminométrique) sur le LIAISON® XL (DiaSorin)	CHU -ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
3.4.6 HIV testing				
Analyses moléculaires				
HIVGXDNA	Sang humain prélevé sur EDTA	Détection du provirus HIV-1 sur système GeneXpert (Cepheid)	PCR qualitative en temps réel - GeneXeprt (Cepheid)	CHU -ST
Analyses non moléculaires				
LRS_LIA_HIV	Plasma,Sérum	Anticorps anti-HIV1 (incluant le groupe O) et anti-HIV2	Test de confirmation (Kit commercial) Innogenetics/TENDIGO	CHU -ST
LRS_VIDAS_DUO	Sérum	Anticorps anti-HIV1/HIV2 et Ag p24 de HIV-1	Test de dépistage (Kit commercial Biomerieux)/ Vidas 30	CHU -ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
3.6 GENETIQUE				
3.6.1 Cytogénétique acquise				
G_CYO_CGH_RES	Moelles, sang leucémique, plasmocytes sélectionnés, tumeurs solides fraiches ou fixée (FFPE)	CGH Onco	Caryotype moléculaire/Comparative Genomic hybridization array (Array CGH)	CHU -ST
G_CYO_CARYO_RES	Moelles, sangs leucémiques	Caryotype Onco-hémato	Caryotype (coloration Q-banding ou G-banding)	CHU -ST
G_CYO_CARYO_RES	Ganglions, rates, liquides d'ascites, liquides pleuraux	Caryotype Onco-Ganglions	Caryotype (coloration Q-banding ou G-banding)	CHU -ST
G_CYO_CARYO_RES	tumeur solide + MSC	Caryotype Onco-Tumeur Solide	Caryotype (coloration Q-banding ou G-banding)	CHU -ST
G_CYO_OGM_RES	Moelle, sang, culot cellulaire	Recherche d'anomalies chromosomiques acquises dans le cadre des leucoses aigues (LA), leucémies lymphoïdes chroniques (LLC), myélomes multiples (MM) & Lymphomes	Optical genome mapping (Bionano)	CHU -ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
3.6.2 Cytogénétique constitutionelle				
G_CYC_CGH_RES	Sangs, produit de fausse-couche.	CGH Constit	Caryotype moléculaire/Comparative Genomic hybridization array (Array CGH)	CHU -ST
G_CYP_CGH_RES	Liquides amniotiques, villosités choriales, sangs fœtaux.	CGH prénat	Caryotype moléculaire/Comparative Genomic hybridization array (Array CGH)	CHU -ST
G_CYP_ELU_CCL	ADN (Ponction de liquide amniotique, trophoblaste, sang, sang fœtal)	Aneuploïdie	qF-PCR (kit Yourgene Health, QST*R Base)	CHU -ST
G_CYC_CARYO_RES	Sangs	Caryotype Constit	Caryotype (coloration Q-banding ou G-banding)	CHU -ST
G_CYP_NIPT_CCL	Sang maternel sur tube Streck ®	Aneuploïdie fœtale sur base des fragments d'ADN circulants librement dans le sang maternel	Massive parallel sequencing (short read) (Illumina,TruSeq Nano DNA Sample kit)	CHU -ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
3.6.3 tests génétiques acquis				
G_BMH_FRA_CEBPA G_BMH_FRA_FLT3_ITD G_BMH_FRA_NPM1	ADN extrait de sang, moelle hématopoïétique	Mutations FLT3 ITD ; NPM1 ; CEBPA	PCR ; Analyse de fragments (amorces "in house" - séquenceurs Applied Biosystems)	CHU -ST
G_BMH_QPCR_ABL	Moëlle, sang	Quantification du transcrit mineur BCR::ABL1	RT-qPCR (kit Qiagen, ipsogen® BCR-ABL1 mbcr Kit)	CHU -ST
G_BMH_PCR_ARN1	Moëlle, sang	Détection des transcrits m ou M BCR::ABL1	RT-PCR (amorces "in house" - Action Concertée BIOMED-1)	CHU -ST
G_BMH_FRA_CALR	ADN extrait de sang, moelle hématopoïétique	CALR exon 9	PCR ; Analyse de fragments (amorces "in house" - séquenceurs Applied Biosystems)	CHU -ST
G_BMH_QPCR_trscrit1	Moëlle, sang	Quantification du transcrit MYH11::CBFB type A, D, E	RT-qPCR (amorces "in house" - LC480 Roche)	CHU -ST
G_BMH_FRA_IGH	ADN extrait de sang, biopsie, moelle hématopoïétique, milieux de ponction divers	Identification de Réarrangements Clonaux du Gène des Chaînes Lourdes des Immunoglobulines (FRI-VH, FRIII-VH des IgH) et Identification des Réarrangements Clonaux du Gène des Chaînes Légères des Immunoglobulines (Kappa)	PCR ; Analyse de fragments (amorces "in house" - Action Concertée BIOMED-2 - séquenceurs Applied Biosystems)	CHU -ST
G_BMO_CHIM_RECEVEUR G_BMO_CHIM_DONNEUR G_BMO_INF_CHIM_FAIRE	Sang, Moëlle, cellules triées.	Etude du chimérisme post-greffe	PCR multiplexe fluorescente (kit Applied Biosystems, AmpFℓSTR™ Identifiler™ Plus PCR Amplification Kit)	CHU -ST
G_BMH_dPCR_ARN1	Moëlle, sang	Quantification du transcrit M BCR::ABL1	ddPCR (kit BIO-RAD, QXDxTM BCR-ABL %IS Kit, Equipements BIO-RAD)	CHU - ST
G_BMH_dPCR_ADN2	ADN extrait de tissus FFPE, moelle, sang	Détection de la mutation V600E de BRAF par PCR digitale	ddPCR (amorces "in house" - Equipements BIO-RAD)	CHU -ST
G_BMH_dPCR_ARN1	Moëlle/Sang	Quantification du transcrit EVI1	ddPCR (amorces "in house" - Equipements BIO-RAD)	CHU -ST
G_BMH_dPCR_ADN1 G_BMH_dPCR_ADN2	Moëlle, sang	Detection des mutations R132 (IDH1) et R140, R172 (IDH2)	ddPCR (amorces "in house" - Equipements BIO-RAD)	CHU -ST
G_BMH_dPCR_JAK2_V617F	Moëlle/Sang	Quantification de la mutation p.Val617Phe de JAK2	ddPCR (amorces "in house" - Equipements BIO-RAD)	CHU -ST
G_BMH_dPCR_ADN1	ADN extrait de moelle, sang	Détection de la mutation D816V de KIT par PCR digitale	ddPCR (amorces "in house" - Equipements BIO-RAD)	CHU -ST
G_BMH_dPCR_ADN1	ADN extrait de sang, moelle hématopoïétique	Detection de mutations dans le codon W515 du gène MPL.	ddPCR (amorces "in house" - Equipements BIO-RAD)	CHU -ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
G_BMH_dPCR_ADN1	Moëlle/Sang	mutation MYD88	ddPCR (amorces "in house" - Equipements BIO-RAD)	CHU - ST
G_BMH_dPCR_ADN2	Moëlle/Sang	Détection de la mutation STAT3 par PCR digitale	ddPCR (amorces "in house" - Equipements BIO-RAD)	CHU -ST
G_BMH_dPCR_ARN1	Moëlle/Sang	quantification du transcrit WT1	ddPCR (amorces "in house" - Equipements BIO-RAD)	CHU - ST
G_BMH_PCR_ARN2	Moëlle/Sang	Détection du transcrit FIP1L1::PDGFRA	RT-PCR (amorces "in house")	CHU -ST
G_BMO_MLPA_METHMLH1	ADN extrait de sang, tissu FFPE (tumeur)	syndrome de lynch.	MS-MLPA (kit MRC-Holland, SALSA® MS-MLPA® Probemix ME011 Mismatch Repair Genes)	CHU -ST
G_BMO_PFLU_MSI	Tumeur fraiche ou fixée	Recherche d'instabilité des microsatellites	PCR ; Analyse de fragments (amorces "in house" - séquenceurs Applied Biosystems)	CHU -ST
G_BMO_HM_PENDO	ADN/tumeur fraiche ou fixée	Recherche de mutations du gène POLE, du gène TP53 et de l'exon 3 du gène CTNNB1 sur tumeur	Amplicon based massive parallel sequencing (short read) ("in house")	CHU -ST
G_BMH_NGS_ARC	ARN extrait de moelle/sang	Génotypage des transcrits de fusion et des SNVs dans 81 gènes dans la Leucémie Lymphoblastique Aigue (ABL1, ABL2, AICDA, BCL11B, BCL2, BCL6, BCR, BLNK, BRAF, CD274, CHD1, CREBBP, CRLF2, CSF1R, CTLA4, DNM2, DNTT, EFB1, EPOR, ETV6, EZH2, FBXW7, FGFR1, FLT3 , HOXA10, HOXA9, IDH1, IDH2, IKZF1, IKZF2, IKZF3, IL7R, IRF4, IRF8, JAK1, JAK2, JAK3, KDM6A, KLF2, KMT2A, KRAS, LMO1, LYL1 , MLLT4, MPL , MYC, NF1, NOTCH1, NRAS, NT5C2, NTRK3, NUP214, NUP98, P2RY8, PAG1, PAX5, PBX1, PDCD1, PDCD1LG2, PDGRA, PDGFRB, PICALM, PTK2B, PTPN1, PTPN11, RAG1, RAG2, RUNX1, SEMA6A, SETD2, SH2B3, SOX11, STAT3, STAT5B, STIL, TAL1, TCF3, TLX1, TYK2, WT1, ZCCHC7)	Anchored multiplex PCR based massive parallel sequencing (short read) (ARCHER, FUSIONPlex ALL Panel)	CHU -ST
G_BMH_NGS_ARC	ARN extrait de tissus FFPE et biopsies fraiches	Génotypage des transcrits de fusion et des SNVs dans 63 gènes dans les Sarcomes (ALK,BCOR,BRAF,CAMTA1,CCNB3,CIC,CSF1,CTNNB1,EGFR, EPC1,ERG,ESR1,ETV1,ETV4,ETV5,ETV6,EWSR1,FGFR1,FGFR 2,FGFR3,FOS,FOSB,FOXO1,FUS,GLI1,HMGA2,JAZF1,MBTD1 ,MDM2,MEAF6,MET,MGEA5,MKL2,MYOD1,NCOA1,NCOA2, NCOA3,NR4A3,NTRK1,NTRK2,NTRK3,NUTM1,PAX3,PDGFB, PDGFRA,PHF1,PLAG1,PRKCA,PRKCB,PRKCD,RAF1,RET,ROS 1,SS18,STAT6,TAF15,TCF12,TFE3,TFG,USP6,VGLL2,YAP1,Y WHAE)	Anchored multiplex PCR based massive parallel sequencing (short read) (ARCHER, FUSIONPlex Sarcoma v2)	CHU - ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
G_BMH_NGS_ARC	ARN extrait des biopsies Poumon FFPE	Génotypage des transcrits de fusion et des SNVs dans les cancers du poumon par approche directe RNAseq selon les indications du Compermed (V.20/04/21)	Anchored multiplex PCR based massive parallel sequencing (short read) (ARCHER, FusionPlex Lung + spike)	CHU -ST
G_BMH_NGS_ARC	ARN extrait des biopsies FFPE	Génotypage des transcrits de fusion dans 18 gènes dans les tumeurs solides (ALK, BRAF, EGFR, FGFR1, FGFR2, FGFR3, KRAS, MET, MUB, MYBL1, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PAX8, PPARG, RET, ROS1)	Anchored multiplex PCR based massive parallel sequencing (short read) (ARCHER, FusionPlex Lung + spike)	CHU -ST
G_BMO_DEV_BRCATUM	Tumeur fraiche ou fixée	BRCA1 et 2 somatique	Amplicon based massive parallel sequencing (short read) (Dvyser, kit Devyser BRCA)	CHU -ST
G_BMO_PFLU_MGMT	Tumeur cérébrale	Etude du statut de méthylation du gène MGMT	MS-PCR (Zymo Research, EZ DNA Methylation™ Kit, amorces "in house" - séquenceurs Applied Biosystems)	CHU -ST
G_BMH_NGS_HALOPLEX	ADN extrait de sang, moelle hématopoïétique, biopsie fraiche	Séquençage d'un panel de 85 gènes dans les leucémies et pathologies hématologiques apparentées (ABL1, ACD, ANKRD26, ASXL1, ATM, BCL11B, BCOR, BCORL1, BIRC3, BRAF, CALR, CBL, CBLB, CBLC, CDC25C, CDKN2A, CEBPA, CRLF2, CSF1R, CSF3R, CUX1, CXCR4, DDX41, DNMT3A, EGLN1, EPAS1, EPOR, ETNK1, ETV6, EZH2, FBXW7, FLT3, GATA1, GATA2, GNAS, HRAS, ID3, IDH1, IDH2, IKZF1, IL7R, JAK1, JAK2, JAK3, KDM6A, KIT, KLF2, KRAS, MPL, MYC, MYD88, NF1, NOTCH1 ,NOTCH2, NPM1, NRAS, PAX5, PDGFRA, PHF6, PRPF8, PTEN, PTPN11, RAD21, RHOA, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SH2B3, SMC1A, SMC3, SRP72, SRSF2, STAG2, STAT3, STAT5B, TCF3, TERC, TERT, TET2, TP53, TYK2, U2AF1, VHL, WT1, ZRSR2)	Massive parallel sequencing (short read) (Agilent Technologies, HaloPlex Target Enrichment System)	CHU -ST
G_BMH_NGS_HMS_LLC_RES	Moëlle/Sang	Recherche d'hypermutation somatique du gène IGH	Massive parallel sequencing (short read) (SOPHiA DDM™ Custom Capture Solution)	CHU -ST
G_BMO_NGS_HRD	ADN extrait de tissus FFPE	Mesure d'un score d'instabilité génomique & Séquençage d'un panel de 28 gènes associés à la Déficience de Recombinaison Homologue à l'aide du kit HRD solution de Sophia Genetics: AKT1, ATM, BARD1, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CCNE1, CDK12, CHEK1, CHEK2, ESR1, FANCA, FANCD2, FANCL, FGFR1, FGFR2, FGFR3, MRE11, NBN, PALB2, PIK3CA, PPP2R2A, PTEN, RAD51B, RAD51C, RAD51D, RAD54L, TP53	Massive parallel sequencing (short read) & Low-Pass Whole genome massive parallel sequencing (short read) (SOPHiA DDM Dx Homologous Recombination Deficiency Solution)	CHU -ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
G_BMH_NGS_IGH_FR1 G_BMH_NGS_IGH_FR3	Moëlle/Sang/tissus frais/plasmocytes sélectionnés	Identification de Réarrangements Clonaux du Gène des Chaînes Lourdes des Immunoglobulines (FRI-VH et FRIII-VH)	Amplicon based massive parallel sequencing (short read) (LymphoTrack Dx IGH (FR1/FR3) Assays - MiSeq)	CHU - ST
G_BMH_NGS_HMS_LLC_RES	ADN extrait de sang, moelle hématopoïétique	Séquençage d'un panel de 23 gènes dans les leucémies lymphoïdes chroniques à l'aide du kit LLC de Sophia Genetics (ATF1, ATM, BCL2, BIRC3, BTK, CDK4, CUL4A, CXCR4, DLEU1, EGR2, FBXW7, KLF5, KRAS, MYD88, NFKBIE, NOTCH1, PLCG2, POT1, PROZ, RB1, SF3B1, TP53, XPO1)	Massive parallel sequencing (short read) (SOPHiA DDM™ Custom Capture Solution)	CHU -ST
G_BMH_NGS_MRD_FR1 G_BMH_NGS_MRD_FR3	ADN extrait de sang, moelle hématopoïétique	MRD quantification de Réarrangements Clonaux du Gène des Chaînes Lourdes des Immunoglobulines FRI-VH et FRIII-VH	Amplicon based massive parallel sequencing (short read) (LymphoTrack Dx IGH (FR1/FR3) Assays - MiSeq)	CHU - ST
G_BMH_NGS_MRD_TRB G_BMH_NGS_MRD_TRG	ADN extrait de sang, moelle hématopoïétique	MRD quantification de Réarrangements Clonaux du Gène de Chaîne Gamma/Beta de Récepteur de Cellule T	Amplicon based massive parallel sequencing (short read) (LymphoTrack Dx TRB/TRG Assay MiSeq)	CHU - ST
G_BMH_NGS_MYS_EXT	ADN extrait de sang, moelle hématopoïétique	Séquençage d'un panel de 99 gènes dans les pathologies myéloïdes à l'aide du kit MYS extended de Sophia Genetics (ABL1,ANKRD26,ASXL1,ASXL2,ATM,ATRX,BCOR,BCORL1,BRAF,BRCC3,CALR,CBL,CBLB,CBLC,CCND2,CDKN2A,CEBPA,CHEK2,CREBBP,CSF3R,CSMD1,CSNK1A1,CTCF,CUX1,DDX41,DHX15,DNMT3A,ELANE,ETNK1,ETV6,EZH2,FANCA,FANCL,FLT3,GATA1,GATA2,GNAS,GNB1,HNRNPK,HRAS,IDH1,IDH2,IKZF1,JAK1,JAK2,JAK3,KDM6A,KIT,KMT2A,KMT2D,KRAS,LUC7L2,MECOM,MET,MPL,MYC,NF1,NOTCH1,NOTCH2,NPM1,NRAS,PAX5,PDGFRA,PHF6,PIGA,PML,PPM1D,PTPN11,RAD21,RAF1,RB1,RBBP6,RPS19,RTEL1,RUNX1,SAMD9,SAMD9L,SBDS,SETBP1,SF3B1,SH2B3,SMC1A,SMC3,SOS1,SRP72,SRSF2,STAG1,STAG2,STAT3,STAT5B,TERC,TERT,TET2,TP53,UBA1,U2AF1,WT1,ZBTB7A,ZRSR2)	Massive parallel sequencing (short read) (SOPHiA Custom Bundle Solution)	CHU -ST
G_BMH_NGS_STS	ADN extrait de tissus FFPE	Séquençage d'un panel de 26 gènes dans les tumeurs (pulmonaires, digestives, mélanomes, GIST, gliomes) (AKT1, ALK, BRAF,CDK4, CDKN2A, CTNNB1, DDR2, DICER1, EGFR, ERBB2, ERBB4,FBXW7,FGFR1, FGFR2, FGFR3,FOXL2,GNA11,GNAQ,GNAS, H3F3A, H3F3B, HIST1H3B, HRAS, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MEK1, MET, MYOD1, NRAS, PDGFRA, PIK3CA,PTPN11,RAC1,RAF1,RET, ROS1,SF3B1,SMAD4,TERT,TP53)	Massive parallel sequencing (short read) (SOPHiA DDM™ Solid Tumor Solution)	CHU - ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
G_BMH_NGS_TP53	Moelle/Sang	Séquençage de TP53 par NGS	Amplicon based massive parallel sequencing (short read) ("in house")	CHU - ST
G_BMH_NGS_TRb G_BMH_NGS_TRg	ADN extrait de sang, moelle hématopoïétique, tissus frais	Identification de Réarrangements Clonaux du Gène des Chaînes Gamma/Beta du Récepteur des Cellules T (TCR Gamma/Beta)	Amplicon based massive parallel sequencing (short read) (LymphoTrack Dx TRB/TRG Assay MiSeq)	CHU -ST
G_BMH_QPCR_trscrit1	Moëlle/Sang	Quantification de la mutation NPM1 type A	RT-qPCR (QIAGEN, ipsogen® NPM1 mutA MutaQuant - LC480 Roche)	CHU - ST
G_BMH_QPCR_trscrit1 G_BMH_QPCR_trscrit2	Moëlle, sang	Quantification du transcrit PML::RARA	RT-qPCR (QIAGEN, kits ipsogen® PML-RARA bcr1/bcr2/bcr3 - LC480 Roche)	CHU -ST
G_BMH_QPCR_trscrit1	Moëlle, sang	Quantification du transcrit RUNX1::RUNX1T1 (AML1::ETO)	RT-qPCR (Kit Qiagen, ipsogen RUNX1-RUNX1T1 - LC480 Roche)	CHU -ST
G_BMH_QPCR_trscrit1	ARN extrait de sang, moelle hématopoïétique, biopsie	Expression SOX11	RT-qPCR (amorces "in house" - LC480 Roche)	CHU -ST
G_BMH_NGS_GNX_OMA	ADN extrait de sang, moelle hématopoïétique, biopsie fraiche	Séquençage d'un panel de 46 gènes dans les leucémies et pathologies hématologiques apparentées (ABL1, ANKRD26, ASXL1, BCOR, BRAF, CALR, CBL, CEBPA, CSF3R, DDX41, DNMT3A, ETV6, EZH2, FLT3, GATA2, HRAS, IDH1, IDH2, IKZF1, JAK2, KIT, KRAS, MPL, MYD88, NF1, NPM1, NRAS, PHF6, PPM1D, PRPF8, PTPN11, RB1, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SH2B3, SMC1A, SMC3, SRSF2, STAG2, TET2, TP53, U2AF1, WT1, ZRSR2, UBA1)	Amplicon based massive parallel sequencing (short read) (Oncomine™ Myeloid Assay GX v2 - Genexus™ Integrated Sequencer)	CHU -ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
3.6.4 tests génétiques constitutionnels				
G_BMC_NANOP_PKD_RES	Sang/ADN	Etude des gènes PKD1/PKD2	Amplicon based massive parallel sequencing (long read) (amorces "in house" - Oxford Nanopore)	CHU - ST
G_BMC_FRAG_FXN	Sang/ADN, Tissus, PLA, Villosités choriales, ADN	Mesure du nombre de triplets GAA au niveau du gène FXN + mutations des exons 2, 3, 4 et 5 du gène FXN	PCR fluorescente ; TP-PCR (amorces "in house" - séquenceurs Applied Biosystems)	CHU -ST
G_BMC_MLPA_PWAS	Sang/ADN, Tissus, PLA, Villosités choriales, ADN	Syndrome d'Angelman	MS-MLPA (kit MRC-Holland, SALSA® MLPA® Probemix ME028 Prader-Willi/Angelman)	CHU -ST
G_BMO_MLPA_APC	Sang/ADN	polypose-gènes APC et MTYH	MLPA (kit MRC-Holland, SALSA® MLPA® probemix P043 APC)	CHU -ST
G_BMC_DIALL_ATRY	Sang séché, Sang/ADN	Génotypage des variants S et Z du gène SERPINA1	Discrimination allélique (amorces "in house" - LC480 Roche)	CHU -ST
G_BMO_MLPA_BRCA1 G_BMO_MLPA_BRCA2	Sang/ADN	BRCA1 et 2	MLPA (kits MRC-Holland, SALSA® MLPA® Probemix P002 BRCA1, SALSA® MLPA® Probemix P045 BRCA2/CHEK2)	CHU -ST
G_BMO_MLPA_CDH1	ADN (leucocytaire, sang)	CDH1	MLPA (kit MRC-Holland, SALSA® MLPA® Probemix P083 CDH1)	CHU -ST
G_BMC_MLPA_CFTR	Sang/ADN, Tissus, PLA, Villosités choriales	Recherche de réarrangements de grande taille du gène CFTR	MLPA (kit MRC-Holland, SALSA® MLPA® Probemix P091 CFTR)	CHU -ST
G_BMC_MLPA_PMP22	Sang /ADN	Diagnostic moléculaire de la maladie de Charcot Marie Tooth / Neuropathie Héréditaire Liée à la Pression	MLPA (kit MRC-Holland, SALSA® MLPA® Probemix P033 CMT1)	CHU -ST
G_BMC_FRAG_DAZY	Sang /ADN	Azoospermie	PCR multiplexe (amorces "in house")	CHU -ST
G_BMC_MLPA_DMD	Sang/ADN, Tissus, PLA, Villosités choriales, ADN	Recherche de délétions ou duplications d'exon(s) au niveau du gène DMD	MLPA (kit MRC-Holland, SALSA® MLPA® Probemixes P034 DMD-1 & P035 DMD-2)	CHU -ST
G_BMC_FRAG_DMPK	Sang /ADN/amniocytes/Villosités choriale	Myopathie de Steinert	PCR fluorescente ; TP-PCR (amorces "in house" - séquenceurs Applied Biosystems)	CHU -ST
G_BMC_DIALL_DPYD	Sang /ADN	Déficit en DPYD (génotypage)	Discrimination allélique (kit LaCAR Mdxtechnologies S.A., LAMP Human DPD Deficiency KIT (4 mutations))	CHU -ST
G_BMO_DIALL_FV	Sang /ADN	Recherche du variant R534Q du gène Facteur V impliqué dans la Thrombophilie à l'aide du kit LAMP Human FV Leiden (LaCAR)	Discrimination allélique (kit LaCAR Mdxtechnologies S.A., LAMP Human FV LEIDEN KIT (rs6025))	CHU -ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
G_BMO_DIALL_HEMO	Sang /ADN	Recherche des variants C282Y and H63D du gène HFE impliqué dans l'hémochromatose à l'aide du kit LAMP Human Hemochromatosis (LaCAR)	Discrimination allélique (kit LaCAR Mdxtechnologies S.A., Lamp Human Hemochromatosis KIT (rs1800562/rs1799945))	CHU -ST
G_BMO_MLPA_HNPC1 G_BMO_MLPA_HNPC2	Sang/ADN	HNPC	MLPA (kits MRC-Holland, SALSA® MLPA® Probemix P003 MLH1/MSH2, SALSA® MLPA® Probemix P072 MSH6-MUTYH)	CHU -ST
G_BMC_FRAG_HTT	Sang/ADN,PLA, Villosités choriales, ADN	Chorée de Huntington	PCR fluorescente (amorces "in house" - séquenceurs Applied Biosystems)	CHU -ST
G_BMC_NGS_MOV_ANA	Sang/ADN	Séquençage d'un panel de gènes impliqués dans les mouvements anormaux (exome filtré): recherche de SNVs et de CNVs	Massive parallel sequencing (short read) - exome filtré (Twist Bioscience, Twist Comprehensive Exome Panel v1)	CHU - ST
G_BMC_ELU_CF	Sang/ADN, Tissus, PLA, Villosités choriales, Sang séché	Recherche des mutations et de réarrangements de grande taille du gène CFTR	ARMS (kit Elucigene CFEU2v1)	CHU -ST
G_BMC_NGS_NEPH_ANA, G_BMC_CHOIX_NEPH, G_BMC_MLPA_PKD	Sang/ADN	Séquençage d'un panel de gènes impliqués dans les maladies rénales rares (exome filtré): recherche de SNVs et de CNVs	Massive parallel sequencing (short read) - exome filtré (Twist Bioscience, Twist Comprehensive Exome Panel v1); MLPA (kit MRC-Holland, SALSA® MLPA® Probemixes P351 PKD1 & P352 PKD1-PKD2, SALSA® MLPA® Probemix P236-B1 CFH Region)	CHU - ST
G_BMC_NGS_NEUR_ANA	Sang/ADN	Séquençage d'un panel de gènes impliqués dans les troubles neurodéveloppementaux et l'épilepsie (exome filtré): recherche de SNVs et de CNVs	Massive parallel sequencing (short read) - exome filtré (Twist Bioscience, Twist Comprehensive Exome Panel v1)	CHU - ST
G_BMC_NGS_ADRH_ANA G_BMC_MLPA_ADRH	Sang/ADN	Analyse d'un panel de 9 gènes impliqués dans l'hypercholestérolémie familiale : recherche des CNV dans le gène LDLR uniquement et des SNV dans les 9 gènes (LDLR, APOE, APOB, PCSK9, LDLRAP1, ABCG5, ABCG8, LIPA, STAP1)	MLPA (kit MRC-Holland, SALSA® MLPA® Probemix P062 LDLR); Massive parallel sequencing (short read) (Twist Bioscience, Twist custom panel Design)	CHU - ST
G_BMC_MLPA_PIT	Sang/ADN	Recherche de délétions ou duplications d'exon(s) au niveau des gènes AIP, CDKN1B, MEN1	MLPA (kit MRC-Holland, SALSA® MLPA® Probemix P244-D1 AIP-MEN1-CDKN1B)	CHU - ST
G_BMO_DIALL_PRTH	Sang /ADN	Recherche du variant c.*97G>A du gène Prothrombine impliqué dans la Thrombophilie à l'aide du kit LAMP Human Prothrombin mutation (LaCAR)	Discrimination allélique (kit LaCAR Mdxtechnologies S.A., LAMP Human Prothrombin mutation KIT (rs1799963))	CHU -ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
G_BMO_HM_PTEN G_BMO_MLPA_PTEN	Sang/ADN	Recherche de mutations dans le gène PTEN	Amplicon based massive parallel sequencing (short read) ("in house") MLPA (kit MRC-Holland, SALSA® MLPA® Probemix P225 PTEN)	CHU -ST
G_BMC_MLPA_PWAS	Sang/ADN, Tissus, PLA, Villosités choriales, ADN	Syndrome de Prader Willi	MS-MLPA (kit MRC-Holland, SALSA® MLPA® Probemix ME028 Prader-Willi/Angelman)	CHU -ST
G_BMC_MLPA_MECP2	Sang /ADN/amniocytes/Villosités choriale	Diagnostic moléculaire du syndrome de RETT	MLPA (kit MRC-Holland, SALSA® MLPA® Probemix P015 MECP2)	CHU -ST
G_BMC_MLPA_SHOX	Sang/ADN	Recherche de délétions ou duplications d'exon(s) au niveau du gène SHOX	MLPA (kit MRC-Holland, SALSA® MLPA® Probemix P018 SHOX)	CHU -ST
G_BMO_MLPA_STK11	Sang/ADN	Recherche de mutations dans le gène STK11	MLPA (kit MRC-Holland, SALSA® MLPA® Probemix P101 STK11)	CHU -ST
G_BMC_FRAG_GJB6	Sang/ADN, Tissus, PLA, Villosités choriales, ADN	Recherche de mutations dans l'exon 1 et 2 du gène GJB2 et mutation du gène GJB6	PCR (amorces "in house" - séquenceurs Applied Biosystems)	CHU -ST
G_BMC_MLPA_HBB	Sang/ADN, Tissus, PLA, Villosités choriales, ADN, Sang séché	Recherche des mutations et de réarrangment de grande taille du gène HBB	MLPA (kit MRC-Holland, SALSA® MLPA® Probemix P102 HBB)	CHU -ST
G_BMO_HM_TP53 G_BMO_MLPA_TP53	Sang, Moëlle hématopoïétique/ADN	Recherche de mutations dans le gène TP53	MLPA (kit MRC-Holland, SALSA® MLPA® Probemix P056 TP53); Amplicon based massive parallel sequencing (short read) ("in house")	CHU -ST
G_BMC_FRAG_TPMT	Sang /ADN	Sensibilité ThioPurineMéthylTransférase (Polymorphisme génique de TPMT)	PCR allèle spécifique (amorces "in house")	CHU -ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
G_BMC_MLPA_SMN1	Sang /ADN/amniocytes/Villosités choriale	Diagnostic moléculaire des Amyotrophies Spinales de type I, II et III	MLPA (kit MRC-Holland, SALSA® MLPA® Probemix P021 SMA)	CHU -ST
G_BMC_XFRA_CCL, G_BMC_FRAG_XFRA_A1, G_BMC_FRAG_XFRA_A2, G_BMC_METH_XFRA	Sang/ADN/amniocytes/villosités choriales	X fragile	TP-PCR (kit Asuragen, AmplideX PCR/CE FMR1 kit); m-PCR (kit Asuragen, AmplideX mPCR FMR1 kit)	CHU - ST
G_BMO_TWT_BRCA, G_BMO_TWT_HBOC16, G_BMO_TWT_HBOC26, G_BMO_TWT_HNPC, G_BMO_TWT_POLYP, G_BMO_TWT_CDH1, G_BMO_TWT_PTEN, G_BMO_TWT_MELA, G_BMO_TWT_CDKN2A, G_BMO_TWT_HOXB13, G_BMO_TWT_ATM, G_BMO_TWT_DICER1, G_BMO_TWT_RB1, G_BMO_TWT_APC_SOM, G_BMO_TWT_TP53, G_BMO_TWT_CHEK2, G_BMO_TWT_MUTYH, G_BMO_TWT_CUSTOM	Sang/ADN	Séquencage d'un panel de 99 gènes associés à la prédisposition aux cancers: recherche de SNVs & de CNVs : ABRAXAS1, AIP, AKT1, APC, ATM, BAP1, BARD1, BLM, BMPR1A, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CASR, CDH1, CDK4, CDKN1B, CDKN2A p14ARf, CDKN2A p16, CHEK2, DICER1, EPCAM, ERCC1, ERCC2, ERCC3, ERCC4, ERCC5, FANCA, FANCB, FANCC, FANCD2, FANCE, FANCF, FANCG, FANCI, FANCL, FANCM, FH, FLCN, GALNT12, GATA2, GREM1, HOXB13, KIT, LZTR1, MEN1, MET, MITF, MLH1, MRE11A, MSH2, MSH3, MSH6, MUTYH, NBN, NF1, NF2, NSD1, NTHL1, PALB2, PDGFRA, PHOX2B, PIK3CA, PMS2, POLD1, POLE, POT1, PRKAR1A, PTCH1, PTEN, RAD50, RAD51, RAD51B, RAD51C, RAD51D, RB1, RECQL4, RET, RUNX1, SDHA, SDHAF2, SDHB, SDHC, SDHD, SLX4, SMAD4, SMARCA4, SMARCB1, SMARCE1, SPINK1, SPRED1, STK11, TERF2IP, TERT, TMEM127, TP53, TSC1, TSC2, VHL, WT1, XRCC2	Massive parallel sequencing (short read) (Twist Bioscience, Twist custom panel Design)	CHU - ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
G_BMH_NGS_TWIST_HERE_A	ADN extrait de sang, moelle hématopoïétique	Séquençage d'un panel de 37 gènes dans les différentes pathologies hématologiques à l'aide d'une capture Twist (EPOR,EPAS1,EGLN1,LNK,JAK1,JAK2,JAK3,STAT3,STAT5B,TET2,VHL,CSF1R,CSF3R,GATA2,CALR,MPL,ANKRD26,DDX41,ETV6,RUNX1,SRP72,TERC,TERT,EPO,PIEZO1,BPGM,SLC30A10,THPO,ELANE,MYH9,ACTN1,ERCC6L2,MECOM,LIG4,GFI1B,HOXA11,WAS)	Massive parallel sequencing (short read) (Twist Bioscience, Twist custom panel Design)	CHU -ST
G_BMH_NGS_WES_RES	ADN extrait de sang, moelle hématopoïétique	Séquençage d'un panel de 96 gènes dans les pathologies Hématologiques héréditaires à l'aide du kit Human All Exon v6 (Agilent): ANKRD26, ATG2B, ATM, ATR, ATRX, BLM, BRCA1, BRCA2(FANCD1), CBL, CEBPA, CHEK2, CSF3R, CTC1, DDX41, DKC1, DNAJC21, EGLN1, ELANE, EPAS1, EPO, EPOR, ERCC6L2, ETV6, FANCA, FANCB, FANCC, FANCD2, FANCE, FANCF, FANCG, FANCI, FANCJ, FANCL, FANCM, FANCN, FANCO, FANCP, FANCQ, FANCR, FANCS, FANCU, FANCV, G6PC3, GATA2, GFI1, GSKIP, HAX1, JAK2, KRAS, LIG4, , MECOM, MLH1, MPL, MSH2, MSH6, NBN, NF1, NHP2, NOP10, PARN, PAX5, PMS2, PTPN11, RBM8A, RPL1, RPL35A, RPL5, RPS10, RPS19, RPS24, RPS26, RPS7, RTEL1, RTEL1, RUNX1, SAMD9, SAMD9L, SBDS, SBF2, SHQ, SRP54, , SRP72, STN1, TERC, TERT, TET2, THPO, TINF2, TP53, TPP1, UBE2T, USB1, VHL, VPS45, WAS, WRAP53. Liste des UTRs/régions introniques profondes : ANKRD26 (10:27389256-27389427) ; DKC1 (X:153991031-153991240) TERC (3:169482849-169483098) ; RTEL1 (20:62326911 ; 20:62326972 ; 20:62326914).	Pré-analytique : - Extraction d'ADN : QIAcube ou QIAsymphony de chez QIAGEN - Dosage de l'ADN : Qubit de chez Invitrogen Analytique : - Test qualité : LightCycler (analyse KASP) - Logiciel d'analyse : LightCycler 480 SW (Software Release) v1.5.1.62 SP3 de chez Roche Post-analytique : - Les résultats bruts traités par le pipeline Humanomix. - Les données tertiaires analysées avec Alissa de chez Agilent.	CHU - ST
G_BMC_NGS_OBZT_ANA G_BMC_MLPA_OBZT	Sang/ADN	Analyse d'un panel de gènes associés à l'obésité monogénique et syndromique : recherche des CNV dans 9 gènes (POMC, SIM1, LEP, LEPR, SH2B1, SEZ6L2, MC4R, MC2R, MC3R) et des SNV dans les 44 gènes (ADCY3, ALMS1, BBS1, BBS2, BBS3 (ARL6), BBS4, BBS5, BBS6 (MKKS), BBS7, BBS8 (TTC8), BBS9, BBS10, BBS11 (TRIM32), BBS12, BBS13 (MKS1), BBS14 (CEP290), BBS15 (WDPCP), BBS16 (SDCCAG8), BBS17 (LZTFL1), BBS18 (BBIP1), BBS19 (IFT27), BDNF, CREBBP, EP300, DYRK1B, GNAS, INPP5E, LEP, LEPR, MAGEL2, MC3R, MC4R, MRAP2, MYT1L, NTRK2, PCSK1, PHF6, POMC, RAB23, SETD2, SH2B1, SIM1, TBX3, TUB)	Massive parallel sequencing (short read) (Twist Bioscience, Twist custom panel Design) MLPA (kit MRC-Holland, SALSA® MLPA® Probemix P220 Obesity)	CHU - ST

Code d'analyse (référence de la procédure d'analyse interne, le cas échéant) ou autre identifiant unique pour l'activité	Échantillon primaire / Type d'échantillon	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure inclus l'équipement et/ou le kit utilisé	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
G_BMH_dPCR_ADN2	ADN extrait de sang, moelle hématopoïétique	Analyse des gènes TPSAB1 et TPSAB2 dans le cadre des alpha tryptasémie héréditaires par PCR digitale	ddPCR (amorces "in house" - Equipements BIO-RAD) - QX 200 Reader (BIO-RAD), QX 200 Generator (BIO-RAD) et C1000 Touch thermocycler (BIO-RAD)	CHU -ST
G_BMC_DIALL_NUD15	ADN	Toxicité à l'Azathioprine/6-MP	Discrimination allélique (amorces "in house" - LC480 Roche) - LightCycler® 480 Instrument II (Roche Diagnostics)	CHU -ST
G_BMC_DIALL_CYP2C19	Sang/ADN	Pharmacogénétique du Clopidogrel et du Mavacamten - gène CYP2C19	Discrimination allélique (kit LaCAR Mdxtechnologies S.A., LAMP Human CYP2C19 deficiency KIT (3 mutations)) - LightCycler® 480 Instrument II (Roche Diagnostics)	CHU -ST
G_BMC_FRAG_UGT1A1	ADN	Recherche du variant UGT1A1*28 (Toxicité à l'Irinotécan)	PCR (amorces "in house" - séquenceurs Applied Biosystems) - 3500/3500xL Genetic Analyzer (Applied Biosystems)	CHU -ST
G_BMC_DIALL_APOE	ADN	Détermination du génotype de l'Apolipoprotéine E dans le cadre de la Maladie d'Alzheimer	Discrimination allélique (APO-Easy Genotyping kit AMONETA- ref : FLS-OE-02; 2 mutations) - LightCycler® 480 Instrument II (Roche Diagnostics)	CHU -ST
G_BMC_NGS_MODY_ANA	Sang/ADN	Analyse d'un panel de gènes associés au Diabète de type MODY : recherche des SNVs et CNVs dans 43 gènes (ABCC8, APPL1, CEL, CELA2A, CISD2, DCAF17, DGUOK, DMXL2, DYRK1B, EIF2AK3, FOXP3, GATA4, GATA6, GCK, GLIS3, HAMP, HFE, HFE2, HNF1A, HNF1B, HNF4A, IER3IP1, INS, INSR, ISCA-37432-Loss, KCNJ11, LRP6, MAFA, NEUROD1, NEUROG3, ONECUT1, PCBD1, PDX1, PPP1R15B, PTF1A, RFX6, SLC19A2, SLC2A2, SLC40A1, TFR2, TRMT10A, WFS1, YIPF5, ZFP57)	Massive parallel sequencing (short read) - exome filtré (Twist Bioscience, Twist Comprehensive Exome Panel v1) - NOVASEQ 6000 (Illumina)	CHU -ST
G_BMC_NGS_SST_ANA	ADN	Etude d'un panel de gènes associés à la petite taille et des troubles associés : recherche des SNVs et CNVs dans 89 gènes	Massive parallel sequencing (short read) - exome filtré (Twist Bioscience, Twist Comprehensive Exome Panel v1) - NOVASEQ 6000 (Illumina)	CHU -ST
G_BMC_MLPA_ABCD1	Sang/ADN/amniocytes/villosités choriales	Recherche de délétions ou duplications d'exon(s) au niveau du gène ABCD1	MLPA (kit MRC-Holland, SALSA® MLPA® Probemixes P049 SLC6A8-ABCD1) - 3500/3500xL Genetic Analyzer (Applied Biosystems)	CHU -ST

BELAC code	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré*	Échantillon primaire / Type d'échantillon*	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
SCOPE FLEXIBLE - Chimie clinique				
Biochimie				
BC1	**Dosage de minéraux, électrolytes et oligoéléments**			
BC1.1		Sang urine	spectrophotométrie UV/VIS	CHU ST + NDB
BC1.4		Sang urine	colorimetrie	CHU ST + NDB
BC1.5		Sang urine	potentiometrie	CHU ST + NDB
BC2	**Dosage de vitamines**			
BC2.1		Sang	Immunoassay	CHU ST + NDB
BC2.2		sang	High performance liquid chromatografie (HPLC) with UV-detection	CHU ST

BELAC code	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré*	Échantillon primaire / Type d'échantillon*	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
BC3	**Détermination des enzymes, protéines, sucres, graisses, acides nucléiques et métabolites associés (y compris les colorants biologiques)**			
BC3.2		Sang urine	Enzymatic photometrie	CHU ST + NDB
BC3.3		Sang urine	colorimetrie	CHU ST + NDB
BC3.4		Sang urine	Immunoassay	CHU ST + NDB
BC.3.5		sang	électrophorèse capillaire	CHU ST + NDB
BC3.7		Sang urine	Immuno-turbidimetrie	CHU ST + NDB
BC3.8		Sang urine	turbidimetrie non-immunologique	CHU ST + NDB
BC.3.9		sang	immunonéphélométrie	CHU ST
BC4	**Dosage de métaux**			
BC4.3		sang urine	inductively coupled plasma mass spectrometry (ICP-MS)	CHU ST

BELAC code	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré*	Échantillon primaire / Type d'échantillon*	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
Hormonologie				
HOR1	**Détermination des hormones**			
HOR1.1		Sang urine	Immunoassay	CHU ST + NDB
HOR1.8		sang urine fluid corporel	LC/MS-MS	CHU ST
Marqueurs tumoraux				
TM1	**détermination des marqueurs tumoraux**			
TM1.1		sang	Immunoassay	CHU ST + NDB
Therapeutic Drug Monitoring				
TDM1.1		sang	Immunoassay	CHU ST
TDM1.3		sang	Immuno-turbidimétrie	CHU ST
TDM1.7		sang	colorimétrie	CHU ST

BELAC code	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré*	Échantillon primaire / Type d'échantillon*	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
Toxicologie				
TOX1	**détection de l'abus de drogues (screening)**			
TOX1.5		sang urine	Immunoassay	CHU ST
TOX2	**détection de l'abus de drogues (confirmation qualitative et/ou détermination quantitative)**			
TOX2.5		sang urine	Immunoassay	CHU ST
TOX2.7		urine	High performance liquid chromatography tandem mass spectrometry (HPLC-tandem MS)	CHU ST
TOX3	**détermination de la dose de cancérogènes et/ou polluants**			
TOX3.2		sang	High performance liquid chromatography tandem mass spectrometry (HPLC-tandem MS)	CHU ST

BELAC code	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré*	Échantillon primaire / Type d'échantillon*	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
Sérologie non infectieuse				
NIS1	**dosage d'immunoglobulines et de sous-classes d'immunoglobulines**			
NIS1.1		sang	Immunoassay	CHU ST
NIS1.2		sang	Immuno-turbidimetrie	CHU ST
NIS2	**Détection d'anticorps IgE spécifiques d'allergènes**			
NIS2.1		sang	Immunoassay	CHU ST
NIS4	**Détection d'anticorps autoimmunes spécifiques**			
NIS4.1		sang	Immunoassay	CHU ST

(*) Le laboratoire est autorisé à déterminer sous accréditation les caractéristiques/paramètres mesurés appartenant au groupe de caractéristiques mesurées /paramètres mesurés mentionné pour les échantillons primaires / types d'échantillon appartenant au groupe des échantillons primaires / types d'échantillon mentionné selon des méthodes d'analyse qui utilisent le principe d'analyse ou de mesure mentionné ou la technique de mesure mentionnée. Cette autorisation est donnée à condition qu'une validation et/ou une vérification appropriée ait été effectuée conformément au concept global de validation et/ou de vérification, tel que défini dans le système de management du laboratoire et dans les dispositions du BELAC 2-002.
Le laboratoire tient à la disposition de chaque demandeur une liste actualisée et détaillée des analyses spécifiques (en termes de caractéristiques mesurées /paramètres mesurés spécifiques appartenant au groupe de caractéristiques mesurées/paramètres mesurés mentionné, d'échantillons primaires / types d'échantillon spécifiques appartenant au groupe d'échantillons primaires / types d'échantillon mentionné et de méthodes d'analyse spécifiques) qui sont exécutés sous accréditation.

BELAC code	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré*	Échantillon primaire / Type d'échantillon*	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
SCOPE FLEXIBLE - Hématologie				
Activités préanalytiques[1]				
PA0	**Préparation/prétraitement**			
PA0.1		Sang Moëlle osseuse Liquides corporels	· Collecte & transport des échantillons · Réception des échantillons y compris l'enregistrement dans le système d'information du laboratoire · Traitement par un module préanalytique automatisé · Traitement manuel[2]	CHU ST + NDB
PA1	Isolation cellulaire			
PA1.1		Sang Moëlle osseuse	Fluorescence activated cell sorting (FACS)	CHU ST
PA1.3		Sang Moëlle osseuse	Magnetic beads	CHU ST
PA1.4		Sang Tissu/biopsie frais Moëlle osseuse Liquides corporels	Red cell lysis	CHU ST

BELAC code	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré*	Échantillon primaire / Type d'échantillon*	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
PA3	Isolation d' ADN/ARN/cell free ADN[2]			
PA3.1		Sang Moëlle osseuse	Magnetic beads	CHU ST
PA4	Quantification/contrôle qualité de ADN/ARN/cell free ADN[2]			
PA4.1		ADN	UV/VIS/fluo-spectrophotometry	CHU ST
PA4.2		ADN	Fluorometry	CHU ST
PA5	Génération de cDNA premier brin			
PA5.1		ARN	Reverse transcription	CHU ST
PA6	Quantification de globules blancs			
PA6.2		Sang Moëlle osseuse	Automated cell counter	CHU ST

BELAC code	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré*	Échantillon primaire / Type d'échantillon*	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
Hématologie cellulaire				
CH1	**Hémocytométrie et détermination de morphologie**			
CH1.1		sang	Colorimetry	CHU ST + NDB
CH1.2		Sang, fluides corporels	Fluorescent flowcytometry	CHU ST + NDB
CH1.3		Sang, fluides corporels	Impedance	CHU ST + NDB
CH1.4		Sang, fluides corporels	Microscopy with or without coloring	CHU ST + NDB
CH1.5		sang	photometry	CHU ST + NDB
CH1.6		sang	optical determination	CHU ST + NDB

BELAC code	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré*	Échantillon primaire / Type d'échantillon*	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
CH2	**Immunophénotypage pour le diagnostic des hémopathies malignes et immunodéficiences congénitales***			
CH2.1		Sang, moëlle osseuse, fluides corporels, biopies fraiches, produits d'aphérèse	cytométrie en flux	CHU ST
CH3	**Immunophénotypage pour le suivi des hémopathies malignes / évaluation de la maladie résiduelle**			
CH3.1		Sang, moëlle osseuse, fluides corporels, biopies fraiches, produits d'aphérèse	cytométrie en flux	CHU ST

BELAC code	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré*	Échantillon primaire / Type d'échantillon*	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
Coagulation				
CO2	**Détermination des paramètres d'hémostase primaire**			
CO2.3		Sang	Chemoluminescence	CHU ST + NDB
CO3	**Détermination des paramètres d'hémostase secondaire**			
CO3.1		Sang	Turbidimetry	CHU ST + NDB
CO3.2		Sang	Chromogene tests	CHU ST + NDB
CO3.3		Sang	Chronometry	CHU ST + NDB

BELAC code	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré*	Échantillon primaire / Type d'échantillon*	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
Immunohématologie				
IH2	**Typage du groupe sanguin**			
IH2.4		gDNA	Real-time PCR (RT-PCR): qualitative	CHU ST
IH4	**Anticorps plaquettaires**			
IH.4.4		Sang	Bead Array	CHU ST
IH5	**Détermination des anticorps des globules blancs**			
IH.5.3		Sang	Bead Array	CHU ST
IH.5.4		Sang	cytotoxicité complément-dépendante	CHU ST

BELAC code	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré*	Échantillon primaire / Type d'échantillon*	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
IH6	**Typage de l'antigène leucocytaire humain (HLA)**			
IH6.3		gDNA	Amplicon based massive parrallel sequencing (short read)	CHU ST
IH6.10		gDNA	Real-time PCR (RT-PCR) : qualitative	CHU ST
IH6.12		gDNA	PCR Single Specific Primer (PCR-SSP) (High resolution)	CHU ST

BELAC code	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré*	Échantillon primaire / Type d'échantillon*	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
IH7	**Typage de l'antigène plaquettaire humain (HPA)**			
IH7.1		gDNA	PCR sequence-specific oligonucleotide (PCR-SSO) (Low resolution)	CHU ST
IH7.2		gDNA	PCR Single Specific Primer (PCR-SSP) (Low resolution)	CHU ST
IH.7.10		gDNA	Real-time PCR (RT-PCR) : qualitative	CHU ST

(*) Le laboratoire est autorisé à déterminer sous accréditation les caractéristiques/paramètres mesurés appartenant au groupe de caractéristiques mesurées /paramètres mesurés mentionné pour les échantillons primaires / types d'échantillon appartenant au groupe des échantillons primaires / types d'échantillon mentionné selon des méthodes d'analyse qui utilisent le principe d'analyse ou de mesure mentionné ou la technique de mesure mentionnée. Cette autorisation est donnée à condition qu'une validation et/ou une vérification appropriée ait été effectuée conformément au concept global de validation et/ou de vérification, tel que défini dans le système de management du laboratoire et dans les dispositions du BELAC 2-002.
Le laboratoire tient à la disposition de chaque demandeur une liste actualisée et détaillée des analyses spécifiques (en termes de caractéristiques mesurées /paramètres mesurés spécifiques appartenant au groupe de caractéristiques mesurées/paramètres mesurés mentionné, d'échantillons primaires / types d'échantillon spécifiques appartenant au groupe d'échantillons primaires / types d'échantillon mentionné et de méthodes d'analyse spécifiques) qui sont exécutés sous accréditation.

[1] Les activités pré-analytiques sont des étapes préparatoires aux autres tests et ne sont donc sous accréditation que si elles sont effectuées en combinaison avec l'un des autres tests indiqués dans le champ d'application de l'accréditation.

BELAC code	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré*	Échantillon primaire / Type d'échantillon*	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
SCOPE FLEXIBLE - Microbiologie				
Pré-analytique pour les méthodes moléculaires à l'exception les kits all-in-one[1]				
PA3	**DNA/RNA isolation/cell free DNA isolation**			
PA3.1		sang fluides corporels milieux cultivés tissu frais/biopsie échantillons respiratoires	Magnetic beads	CHU ST
Virologie				
VIR1	**Quantification et detection de virus**			
VIR1.10		DNA/RNA	Real-time PCR : quantitative	CHU ST
VIR1.10 (aio)		sang fluides corporels échantillons respiratoires	Real-time PCR : quantitative	CHU ST
VIR1.11		DNA/RNA	Real-time PCR : qualitative	CHU ST
VIR1.11 (aio)		fluides corporels échantillons respiratoires	Real-time PCR : qualitative	CHU ST CHU NDB

BELAC code	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré*	Échantillon primaire / Type d'échantillon*	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
IS2	**Détection de l'activité humorale**			
IS2.2		sang	Immuno-assays	CHU ST
Bactériologie				
BAC1	**Identification, quantification et détection des bactéries et de leurs toxines**			
BAC1.11		DNA	Real-time PCR (RT-PCR) : qualitative	CHU ST
BAC1.11 (aio)		fluides corporels tissu frais/biopsie échantillons respiratoires échantillons uro-génitaux	Real-time PCR (RT-PCR) : qualitative	CHU ST
BAC1.12		DNA	PCR + Fragment analysis via gel-electrophoresis	CHU ST

BELAC code	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré*	Échantillon primaire / Type d'échantillon*	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
Parasitologie extension demandée				
PAR1	**Identification, quantification et détection des parasites**			
PAR1.11		DNA	Real-time PCR (RT-PCR) : qualitative	CHU ST

(*) Le laboratoire est autorisé à déterminer sous accréditation les caractéristiques/paramètres mesurés appartenant au groupe de caractéristiques mesurées /paramètres mesurés mentionné pour les échantillons primaires / types d'échantillon appartenant au groupe des échantillons primaires / types d'échantillon mentionné selon des méthodes d'analyse qui utilisent le principe d'analyse ou de mesure mentionné ou la technique de mesure mentionnée. Cette autorisation est donnée à condition qu'une validation et/ou une vérification appropriée ait été effectuée conformément au concept global de validation et/ou de vérification, tel que défini dans le système de management du laboratoire et dans les dispositions du BELAC 2-002.
Le laboratoire tient à la disposition de chaque demandeur une liste actualisée et détaillée des analyses spécifiques (en termes de caractéristiques mesurées /paramètres mesurés spécifiques appartenant au groupe de caractéristiques mesurées/paramètres mesurés mentionné, d'échantillons primaires / types d'échantillon spécifiques appartenant au groupe d'échantillons primaires / types d'échantillon mentionné et de méthodes d'analyse spécifiques) qui sont exécutés sous accréditation.

[1] Les activités pré-analytiques sont des étapes préparatoires aux autres tests et ne sont donc sous accréditation que si elles sont effectuées en combinaison avec l'un des autres tests indiqués dans le champ d'application de l'accréditation.

BELAC code	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré*	Échantillon primaire / Type d'échantillon*	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
SCOPE FLEXIBLE - Pathologie				
Pré-analytique[1]				
PA11	**Fabrication de lames**			
PA11.1		matériel fixé	prétraitement / post-fixation / enrobage / préparation de lames	CHU ST
Maladies acquises/oncologie				
CA1	**Détection des aberrations chromosomiques numériques / structurelles**			
CA1.5		Lames	Hybridation in situ fluorescente (FISH)	CHU ST
Pathologie infectieuse				
IP6 = VIR3	**Génotypage de virus**			
IP 6.2 aio= VIR3.4		échantillons uro-génitaux	Real-time PCR (RT-PCR) : qualitative	CHU ST

(*) Le laboratoire est autorisé à déterminer sous accréditation les caractéristiques/paramètres mesurés appartenant au groupe de caractéristiques mesurées /paramètres mesurés mentionné pour les échantillons primaires / types d'échantillon appartenant au groupe des échantillons primaires / types d'échantillon mentionné selon des méthodes d'analyse qui utilisent le principe d'analyse ou de mesure mentionné ou la technique de mesure mentionnée. Cette autorisation est donnée à condition qu'une validation et/ou une vérification appropriée ait été effectuée conformément au concept global de validation et/ou de vérification, tel que défini dans le système de management du laboratoire et dans les dispositions du BELAC 2-002.
Le laboratoire tient à la disposition de chaque demandeur une liste actualisée et détaillée des analyses spécifiques (en termes de caractéristiques mesurées /paramètres mesurés spécifiques appartenant au groupe de caractéristiques mesurées/paramètres mesurés mentionné, d'échantillons primaires / types d'échantillon spécifiques appartenant au groupe d'échantillons primaires / types d'échantillon mentionné et de méthodes d'analyse spécifiques) qui sont exécutés sous accréditation.

[1] Les activités pré-analytiques sont des étapes préparatoires aux autres tests et ne sont donc sous accréditation que si elles sont effectuées en combinaison avec l'un des autres tests indiqués dans le champ d'application de l'accréditation.

BELAC code	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré*	Échantillon primaire / Type d'échantillon*	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure	Compétence par type de pathologie impliquée	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
SCOPE FLEXIBLE - Génétique					
Pré-analytique pour les méthodes moléculaires à l'exception des kits tout-en-un (= all-in-one)[1]					
PA3	**Extraction d'ADN/ARN/cell free DNA**				
PA3.1		Sang, tissu fixé/biopsie, moelle osseuse	Billes magnétiques	**NA**	CHU ST
PA3.3		Sang	Extraction phénol/chloroforme	**NA**	CHU ST
PA3.4		Sang, tissu frais/biopsie, moelle osseuse, tissu d'origine fœtale	Colonnes filtrantes	**NA**	CHU ST
PA3.7		Tâches de sang séchées	Résine d'échange d'ions chélatants	**NA**	CHU ST

BELAC code	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré*	Échantillon primaire / Type d'échantillon*	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure	Compétence par type de pathologie impliquée	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
PA4	**Quantification/contrôle qualité de DNA/RNA/cell free DNA**				
PA4.1		DNA	Spectrophotométrie UV/VIS	**NA**	CHU ST
PA4.2		DNA	Fluorométrie	**NA**	CHU ST
Anomalies chromosomiques					
CA1	**Détection d'anomalies chromosomiques de nombre / structurelles**				
CA1.5		sang, cellules, tissu frais/biopsie, moelle osseuse, fluides corporels	Hybridation in situ fluorescente (FISH)	**NA**	CHU ST

BELAC code	Caractéristique mesurée/ Paramètre mesuré*	Échantillon primaire / Type d'échantillon*	Méthode d'analyse / Principe d'analyse ou de mesure	Compétence par type de pathologie impliquée	Réalisé dans ou coordonné par le(s) site(s) d'activités suivant(s)
Détection de variants					
VD1	**Détection et / ou quantification de variants de nucléotide pour le diagnostic, le pronostic ou le choix du traitement et / ou le suivi**				
VD1.14		gDNA	PCR + Séquençage Sanger	type de pathologie impliquée (voir onglet "compétences")	CHU ST

(*) Le laboratoire est autorisé à déterminer sous accréditation les caractéristiques/paramètres mesurés appartenant au groupe de caractéristiques mesurées /paramètres mesurés mentionné pour les échantillons primaires / types d'échantillon appartenant au groupe des échantillons primaires / types d'échantillon mentionné selon des méthodes d'analyse qui utilisent le principe d'analyse ou de mesure mentionné ou la technique de mesure mentionnée. Cette autorisation est donnée à condition qu'une validation et/ou une vérification appropriée ait été effectuée conformément au concept global de validation et/ou de vérification, tel que défini dans le système de management du laboratoire et dans les dispositions du BELAC 2-002.
Le laboratoire tient à la disposition de chaque demandeur une liste actualisée et détaillée des analyses spécifiques (en termes de caractéristiques mesurées /paramètres mesurés spécifiques appartenant au groupe de caractéristiques mesurées/paramètres mesurés mentionné, d'échantillons primaires / types d'échantillon spécifiques appartenant au groupe d'échantillons primaires / types d'échantillon mentionné et de méthodes d'analyse spécifiques) qui sont exécutés sous accréditation.

[1] Les activités pré-analytiques sont des étapes préparatoires aux autres tests et ne sont donc sous accréditation que si elles sont effectuées en combinaison avec l'un des autres tests indiqués dans le champ d'application de l'accréditation.

Compétence pour le séquencage Sanger par type de pathologie impliquée

Achondroplasie
Adrénoleucodystrophie liée à l'X
Amyloïdose Héréditaire à la Transthyrétine → AHTTR
Ataxie de Friedreich
Cholestase intrahépatique progressive familiale de type 1, 2 et 3
Diagnostic moléculaire de la dyschondrostéose de Leri-Weill, de la dysplasie mésomélique type Langer, et des retards staturaux idiopathiques
Erythrocytose congénitale
Hemochromatose juvenile
Hémoglobinopathie Beta
Hypercholestérolémie familiale
Hypomagnésémie rénale avec hypercalciurie et néphrocalcinose
Lymphoma lymphoplasmacytique → CXCR4
Lymphome Non Hodgkinien
Maladie de Waldenström→ CXCR4
Mucoviscidose
Néoplasie endocrinienne multiple de type 2
Néoplasie myéloproliférative
Obésité non syndromique
Pancréatite héréditaire/idiopathique
Polypose Adénomateuse Familiale autosomique dominant
Polypose Adénomateuse Familiale autosomique récessive
Prédisposition au cancer de la prostate
Prédisposition au cancer de l'ovaire
Prédisposition au cancer du sein
Surdité Neurosensorielle non Syndromique
Syndrome Cancer Gastrique Diffus et lobulaire du sein
Syndrome de Cowden
Syndrome de Kallmann type 1 et 2
Syndrome de Li-Fraumeni